

# Standardy jakości danych

## dla baz udostępnianych w ramach sieci KSIB

Dokument ten określa standardy jakości danych, które są zalecane przy przygotowywaniu baz do udostępnienia w ramach Krajowej Sieci Informacji o Bioróżnorodności. Zawiera wskazówki dotyczące przygotowania baz, metadanych, opisy pól mapowanych do konceptów schematu ABCD 2.06 oraz wzory tabel..

Autorzy:

Robert Meronka, Piotr Tykarski

Składamy podziękowania prof. dr. hab. Jerzemu Dzikowi za pomoc w opracowaniu pól dotyczących danych paleontologicznych.

Krajowa Sieć  
Informacji o Bioróżnorodności



Wersja dokumentu:

1.0 – pierwsza opublikowana wersja

1.0.1 – zmiana statusu pola CoordinateErrorDistanceInMeters, drobne poprawki

Utwór ten dostępny jest na licencji

[Creative Commons Uznanie autorstwa-Na tych samych warunkach 2.5 Polska](http://creativecommons.org/licenses/by-sa/2.5/pl/)

<http://creativecommons.org/licenses/by-sa/2.5/pl/>



## Spis treści

Wprowadzenie.....	4
Standardy jakości danych.....	4
Oprogramowanie TAPIR Link.....	4
Opis pola.....	5
Załączone pliki.....	5
Pole pełnej nazwy naukowej.....	5
Metadane.....	6
Podstawowe dane.....	7
Opis pól podstawowych:.....	7
Opis pól związanych z kolekcjami:.....	11
Określenie lokalizacji.....	14
Opis pól związanych z określeniem lokalizacji:.....	14
Określenie Czasu.....	18
Opis pól związanych z określeniem czasu:.....	18
Określenie systematyki.....	20
Opis pól związanych z określeniem systematyki.....	20
Opis pól związanych z określeniem systematyki zoologicznej.....	22
Opis pól związanych z określeniem systematyki botanicznej.....	24
Opis pól związanych z określeniem systematyki mikrobiologicznej.....	27
Dodatkowe informacje.....	29
Opis pól związanych z określeniem systematyki gatunków powiązanych.....	29
Opis pól związanych z określeniem systematyki zwierzęcych gatunków powiązanych.....	30
Opis pól związanych z określeniem systematyki roślinnych gatunków powiązanych.....	33
Opis pól związanych z danymi paleontologicznymi.....	36
Łączenie pełnej nazwy naukowej.....	38
Składanie pola "fullscientificname" w programie MS Excel.....	38
Systematyka zoologiczna.....	38
Systematyka botaniczna.....	38
Systematyka mikrobiologiczna.....	38
Składanie pola "fullscientificname" za pomocą języka SQL.....	39
Systematyka zoologiczna.....	39
Systematyka botaniczna.....	39
Systematyka mikrobiologiczna.....	40
Składanie pola "fullscientificname" za pomocą języka SQL programu MS Access.....	40
Systematyka zoologiczna.....	41
Systematyka botaniczna.....	41
Systematyka mikrobiologiczna.....	41

# Wprowadzenie

W ramach Krajowej Sieci Informacji o Bioróżnorodności istnieją obecnie dwie metody prezentacji baz Uczestników w Sieci – schematy Darwin Core i ABCD. Oba są stosowane w sieci GBIF i dzięki nim dane krajowe widoczne są w sieci światowej. Każdy z nich zapewnia udostępnianie wybranych pól z bazy, które prezentowane są na zewnątrz.

Z powodu różnej metody komunikacji i ograniczeń ze strony możliwości oprogramowania nie było dotychczas jednolitego dostępu do baz działających w KSIB. Wprowadzenie przez GBIF nowego protokołu wymiany danych o nazwie TAPIR pozwala na zmianę tego stanu rzeczy. Konieczne jest do tego przejście wszystkich baz na schemat ABCD w wersji 2.06 i zastosowanie jednolitego systemu nazewnictwa pól. Do obsługi nowego standardu wybrane zostało oprogramowanie TAPIR Link, które będzie wymagać instalacji we wszystkich Węzłach Danych.

## Standardy jakości danych

Przejście na nowy, wspólny protokół wiąże się z ujednoceniem formatu i dokładności prezentowanych danych. W trakcie przygotowań do migracji baz na oprogramowanie TAPIR Link w Węzle Krajowym KSIB opracowane zostały standardy jakości, jakie powinny spełniać bazy Uczestników Sieci, aby mogły zostać w łatwy sposób i bez błędów udostępnione w sieci. Zgodnie z nimi wszystkie rekordy w udostępnianych bazach powinny spełniać cztery główne wymagania.

1. Podanie podstawowych danych o rekordzie i o udostępniającym (metadane).
2. Oznaczenie lokalizacji geograficznej.
3. Określenie czasu dokonania obserwacji lub pozyskania okazu do kolekcji.
4. Dokładne określenie pozycji systematycznej.

Dokument ten ma ułatwić przygotowanie baz stosownie do obowiązującego standardu. Opisuje on wybrane pola bazy odpowiadające konceptom schematu ABCD 2.06, pogrupowane względem wymienionych wymagań, z zaznaczeniem pól obowiązkowych dla zgodności ze standardem. Zawiera też przykłady treści poszczególnych elementów.

W rozdziale "Dodatkowe informacje" zostały przytoczone przykładowe zestawy pól, których wypełnienie nie jest konieczne, aby bazy spełniały wymagania przyjętych standardów jakości danych. Pola te mogą jednak posłużyć rozszerzeniu informacji udostępnianej przez bazy. Rozdział ten został umieszczony również w celu zwrócenia uwagi na możliwości schematu ABCD 2.06 w prezentowaniu danych o okazach i obserwacjach biologicznych.

## Oprogramowanie TAPIR Link

Zastosowanie oprogramowania TAPIR Link pozwoli na rozpoczęcie prac nad zintegrowanym systemem przeszukującym wszystkie bazy prezentowane przez Uczestników KSIB oraz narzędziami ułatwiającymi korzystanie z danych w bazach.

TAPIR Link posiada bardzo wygodny mechanizm automatyzujący podłączanie baz, pozwalający skrócić te czynności wielokrotnie. Aby możliwe było skorzystanie z tego mechanizmu, nagłówki pól (kolumn) w bazie muszą być odpowiednio opisane. Nazwy pól omawianych w tym dokumencie mają dokładnie takie brzmienie, w jakim powinny znaleźć się w bazie.

## Opis pola

Wszystkie pola zostały opisane w jednakowy sposób. W pierwszej linii po lewej stronie umieszczona jest nazwa pola. Dokładnie w takim brzmieniu, bez zmiany wielkości liter, dodawania, usuwania znaków, powinna się ona znaleźć w nagłówku pola (kolumny) bazy. Z prawej strony jest określona istotność tego pola dla spełnienia standardów. Określenie "wymagane" oznacza, że pole to musi być wypełnione, aby rekord spełniał standardy. Określenie "warunkowo wymagane" oznacza, że wypełnienie jest konieczne, jeśli zaszła sytuacja określona w opisie pola. Pola określone jako "opcjonalne" nie są wymagane dla spełnienia standardów, ale mogą być użyteczne dla umieszczenia wartościowych informacji. Pola „zalecane” powinny być wypełnione wszędzie, gdzie to możliwe. Brak wartości w takich przypadkach należy traktować jako stan przejściowy. Pola związane z określeniem systematyki są rozdzielone na grupy odpowiednio dla konwencji stosowanych w różnych grupach organizmów - oddzielnie dla danych zoologicznych, botanicznych (a także mykologicznych) i mikrobiologicznych. W tym przypadku jako "wymagane" należy rozumieć pola odpowiednie dla danej grupy.

W kolejnych wierszach podane jest miejsce mapowania opisywanego pola w koncepcie ABCD 2.06; jest ono jednocześnie aktywnym odnośnikiem do strony internetowej opisującej dany koncept, przygotowanej przez grupę "Biodiversity Information Standards (TDWG)". Opisy te mogą być pomocne w wyjaśnianiu wątpliwości, ale należy pamiętać, że dane na tej stronie nie zawsze są kompletne i aktualne (informacja ta została uzyskana bezpośrednio z TDWG). W przypadku rozbieżności pomiędzy stroną TDWG i tym dokumentem jako aktualne należy przyjąć te znajdujące się w niniejszym dokumencie.

Kolejne wiersze opisu określają w kilku słowach przeznaczenie danego pola. Następnie zamieszczony jest jeden lub kilka przykładów ilustrujących jak należy wypełniać pole.

Na końcu znajduje się opis pola, podający bardziej szczegółowe informacje dotyczące wypełniania pola, stosowanych konwencji i formatów.

## Załączone pliki

Aby wykorzystać w pełni możliwości, jakie daje oprogramowanie TAPIR Link, konieczne jest stosowanie dokładnie takich samych nazw pól, jak te podane w niniejszym opisie. Aby ułatwić zadanie osobom przygotowującym bazy i uniknąć błędów, jakie mogły by powstać przy przepisywaniu nazw pól, przygotowane zostały trzy pliki zawierające szablony tabeli z umieszczonymi właściwymi nazwami pól, które można wykorzystać w zależności od preferowanego sposobu przechowywania danych:

szablon\_tabeli.xls – szablon tabeli programu MS Excel,

szablon\_tabeli.mdb – szablon tabeli programu MS Access,

szablon\_tabeli.sql – kod SQL do utworzenia tabeli.

Przy tworzeniu nowej tabeli, należy skopiować odpowiedni szablon i po usunięciu nieużywanych pól, wypełnić ją danymi. W przypadku kodu SQL należy usunąć definicje nieużywanych pól, a potem użyć kodu do utworzenia tabeli. W szablonach znajdują się wszystkie opisywane tutaj pola, poza wymienionymi w rozdziale "Dodatkowe informacje"

## Pole pełnej nazwy naukowej

Zawartość pola "fullscientificname" jest złożeniem zawartości innych pól związanych z systematyką. Aby uniknąć błędów, nie powinno ono być wypełniane ręcznie. W rozdziale "Łączenie pełnej nazwy naukowej" znajdują się przykłady automatycznego generowania jego zawartości za pomocą programów MS Excel, MS Access i polecenia języka SQL.

# Metadane

Przeznaczenie poszczególnych pól pozwalających wprowadzić metadane jest bardzo dobrze opisane w oprogramowaniu TAPIR Link. W związku z tym w bieżącym rozdziale przedstawione będą jedynie te informacje, które muszą być podane przez osobę przekazującą bazę do podłączenia. Wszystkie elementy powinny być podane w języku angielskim.

Metadane powinny zawierać:

1. krótką nazwę bazy opisującą jej zawartość;
2. dokładny opis bazy;
3. informacje o instytucji zaangażowanej w powstanie przekazywanej bazy.

Dodatkowo można podać:

4. słowa kluczowe;
5. sposób cytowania rekordów z bazy – jeżeli zasady cytowania nie zostaną określone w metadanych, zastosowanie mają ogólne zasady cytowania baz sieci GBIF  
<http://data.gbif.org/tutorial/datauseagreement>.

Jeżeli w powstanie bazy zaangażowana była więcej niż jedna instytucja, należy przekazać informacje o każdej z nich.

Informacje o instytucji powinny zawierać:

1. identyfikator instytucji;
2. nazwę instytucji;
3. adres instytucji;
4. imię i nazwisko osoby zajmującej się bazą;
5. e-mail osoby zajmującej się bazą.

Dodatkowo można podać:

6. opis instytucji;
7. adres strony www instytucji;
8. telefon osoby zajmującej się bazą;
9. adres pliku zawierającego logo instytucji.

Jeżeli bazą zajmuje się więcej niż jedna osoba, można podać dane wszystkich osób.

# Podstawowe dane

Poniżej znajduje się omówienie pól służących podaniu podstawowych informacji o danych znajdujących się w bazie [niejasne - i o samej bazie, a które nie zostały podane w metadanych].

## Opis pól podstawowych:

### **unitid**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/UnitID>

Przeznaczenie:

identyfikator rekordu

Przykład:

**5221**

**COL-STA-00569**

Opis:

W polu tym należy umieścić unikalny identyfikator rekordu na przykład w postaci liczbowej może to też być oryginalny identyfikator z kolekcji]. Wartości w tym polu nie mogą się powtarzać w obrębie bazy.

### **datelastedited**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/DateLastEdited>

Przeznaczenie:

data ostatniej modyfikacji

Przykład:

**2008-03-04**

Opis:

W polu tym należy umieścić datę ostatniej modyfikacji bazy. Datę należy podać zgodnie ze standardem ISO8601 w formacie yyyy-mm-dd.

### **recordbasis**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/RecordBasis>

Przeznaczenie:

podstawa rekordu

Przykład:

**PreservedSpecimen**

**HumanObservation**

*Opis:*

W polu tym należy określić, na jakiej podstawie został utworzony rekord. Wskazane jest użycie terminów: „PreservedSpecimen”, „LivingSpecimen”, „FossileSpecimen”, „OtherSpecimen”, „HumanObservation”, „MachineObservation”, „DrawingOrPhotograph”, „MultimediaObject”. W przypadku rekordów odnoszących się do danych literaturowych pole to również powinno być wypełnione na takiej samej zasadzie. Informacja o publikacji źródłowej powinna się wtedy znaleźć w polu "sourcereferencetitle".

## **gatheringagentperson**

**wymagane**

*Mapowanie w ABCD 2.06:*

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Agents/GatheringAgent/Person/FullName>

*Przeznaczenie:*

zbieracz/obserwator

*Przykład:*

**Jan Kowalski**

*Opis:*

W polu tym należy określić osobę odpowiedzialną za zebranie okazu lub dokonanie obserwacji opisywanej przez dany rekord.

## **gatheringmethod**

**opcjonalne**

*Mapowanie w ABCD 2.06:*

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Method>

*Przeznaczenie:*

metoda zbioru/obserwacji

*Przykład:*

**GPS tracking  
sweep net**

*Opis:*

Pole to może służyć określeniu metody użytej do pozyskania okazu lub dokonania obserwacji opisywanej przez dany rekord. Pole to powinno zostać wypełnione w języku angielskim.

## **identifier**

**wymagane**

*Mapowanie w ABCD 2.06:*

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Identifiers/Identifier/PersonName/FullName>

*Przeznaczenie:*

autor oznaczenia

*Przykład:*

**Jan Kowalski**

*Opis:*

W polu tym należy określić osobę, która dokonała oznaczenia okazu opisywanego przez dany rekord.



## **sex**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Sex>

Przeznaczenie:

płeć

Przykład:

**female**  
**male**

Opis:

Pole to może służyć do określenia w języku angielskim płci opisywanego osobnika.

## **unitcitationtext**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/IPRStatements/Citations/Citation/Text>

Przeznaczenie:

forma cytowania rekordu

Przykład:

**Tykowski P. 2006. Beetles associated with scolytids (Coleoptera, Scolytidae) and the elevational gradient: Diversity and dynamics of the community in the Tatra National Park, Poland. For. Ecol. Manage. 225(1-3):146-159**

Opis:

W polu tym należy określić jak ma być cytowany dany rekord. Pole to jest wymagane, jeśli dany rekord powinien być cytowany w inny sposób niż zostało to podane w metadanych. Jeśli zasady cytowania nie są wskazane w metadanych, to zastosowanie mają ogólne zasady cytowania baz sieci GBIF: <http://data.gbif.org/tutorial/datauseagreement>.

## **sourcereferencetitle**

**warunkowo wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/SourceReference/TitleCitation>

Przeznaczenie:

cytowana publikacja

Przykład:

**Tykowski P. 2006. Beetles associated with scolytids (Coleoptera, Scolytidae) and the elevational gradient: Diversity and dynamics of the community in the Tatra National Park, Poland. For. Ecol. Manage. 225(1-3):146-159**

Opis:

Jeżeli dane opisywane w danym rekordzie pochodzą z publikacji, w polu tym należy zacytować publikację źródłową. Jeśli ma to być jednocześnie forma cytowania samego rekordu, to aby zapewnić poprawne cytowanie przez użytkowników bazy, w polu "unitcitationtext" należy umieścić taką samą informację jak w opisywanym tu polu.

## **notes**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Notes>

Przeznaczenie:

notatki

Przykład:

**on a steep slope**

**by night**

**the label without the date of collection**

Opis:

Jeżeli istnieje potrzeba umieszczenia dodatkowych informacji, dla których nie jest wydzielone w schemacie specjalne pole, można umieścić je w tym polu.

## **Opis pól związanych z kolekcjami:**

### **sourceinstitutionid**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/SourceInstitutionID>

Przeznaczenie:

identyfikator instytucji

Przykład:

**UJAG-IZ**

**Botanical Garden, University of Warsaw**

Opis:

Jeżeli rekord dotyczy okazu należącego do innej (zewnętrznej) kolekcji, pole to służy podaniu nazwy lub identyfikatora instytucji, w której jest przechowywana kolekcja.

### **sourceid**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/SourceID>

Przeznaczenie:

identyfikator kolekcji

Przykład:

Opis:

Jeżeli rekord dotyczy okazu należącego do innej (zewnętrznej) kolekcji, pole to służy podaniu nazwy lub identyfikatora kolekcji, w której jest przechowywany okaz.

## **preparationtype**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/SpecimenUnit/Preparations/Preparation/PreparationType>

Przeznaczenie:

metoda konserwacji

Przykład:

**in alcohol  
dry skin  
pinned specimen**

Opis:

W polu tym można umieścić informację o użytej metodzie konserwacji okazu. Pole to powinno zostać wypełnione w języku angielskim.

---

## **kindofunit**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/KindOfUnit>

Przeznaczenie:

przechowywany materiał

Przykład:

**whole organism  
eggs  
bones  
seeds  
blood samples**

Opis:

W polu tym można umieścić informację o częściach organizmu lub rodzaju materiału stanowiącego okaz. Pole to powinno zostać wypełnione w języku angielskim.

---

## **typestatus**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/SpecimenUnit/NomenclaturalTypeDesignations/NomenclaturalTypeDesignation/TypeStatus>

Przeznaczenie:

status typu

Przykład:

**holotype  
lectotype**

Opis:

Jeżeli okaz z kolekcji ma status typu, należy w tym polu umieścić termin określający ten status.

## **fact**

## **opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/MeasurementsOrFacts/MeasurementOrFact/MeasurementOrFactAtomised/LowerValue>

Przeznaczenie:  
wartość

Przykład:

**3.05**

Opis:

Jeżeli zachodzi konieczność podania dodatkowej wartości liczbowej (na przykład liczby osobników), można dokonać tego w tym polu. Gdy pole to jest wypełnione, wymagane jest wypełnienie pola "factparameter" i pola "factunitofmeasurement".

## **factparameter**

## **warunkowo wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/MeasurementsOrFacts/MeasurementOrFact/MeasurementOrFactAtomised/Parameter>

Przeznaczenie:  
mierzona właściwość

Przykład:

**weight**

**length**

**abundance (individual count)**

Opis:

W polu tym należy określić jaka mierzalna wartość została opisana w polu "fact". Gdy pole to jest wypełnione, wymagane jest wypełnienie pola "fact" i pola "factunitofmeasurement".

## **factunitofmeasurement**

## **warunkowo wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/MeasurementsOrFacts/MeasurementOrFact/MeasurementOrFactAtomised/UnitOfMeasurement>

Przeznaczenie:  
jednostka pomiaru

Przykład:

**g**

**cm**

Opis:

W polu tym należy określić jednostkę pomiaru wartości podanej w polu "fact". Gdy pole to jest wypełnione, wymagane jest wypełnienie pola "fact" i pola "factparameter".

# Określenie lokalizacji

Wszystkie rekordy w bazie powinny zawierać informację o lokalizacji geograficznej. Współrzędne geograficzne w formie dziesiętnej powinny zostać umieszczone w polach "latitude" i "longitude". Dodatkowo wymagane jest podanie dokładności lokalizacji, określonej w metrach w polu "coordinateserrordistanceinmeters". Wielkość tego błędu nie powinna być większa niż 8000 m, a w przypadku rekordów, w których podawanie dokładnej lokalizacji nie jest wskazane, błąd może zostać zwiększony do 16000 m.

Docelowo wymagane jest określenie współrzędnych geograficznych podanych w systemie dziesiętnym. Dopuszczane jest nie podawanie współrzędnych geograficznych, jeśli lokalizacja jest określona za pomocą nazwy miejscowej umieszczonej w polu "localitytext". W tym przypadku lokalizacja może być określona z dokładnością co najmniej do poziomu gminy, a w sytuacji gdy podawanie dokładnej lokalizacji nie jest wskazane, można wskazać powiat. Gdy lokalizacja jest podawana w polu "localitytext", pole "coordinateserrordistanceinmeters" pozostaje niewypełnione.

W pewnych przypadkach może być uzasadnione umieszczenie w bazie informacji, w jakim języku została zapisana nazwa miejscowa. Dotyczy to sytuacji, gdy opisy na etykietach zawierają na przykład niemieckie nazwy miejscowości. Do tego celu służy pole "localitytextlanguage".

Określenie lokalizacji geograficznej za pomocą nazwy miejscowej jest dopuszczane jako rozwiązanie tymczasowe i należy dołożyć wszelkich starań, aby określić współrzędne geograficzne dla wskazanego miejsca.

W przypadku rekordów dotyczących wyjątkowo wartościowych okazów z kolekcji, dla których określenie współrzędnych na podstawie nazwy miejscowej nie jest możliwe, można pozostawić nazwę opisową jako docelową. W takiej sytuacji wskazane jest wypełnienie również pola "localitytextlanguage".

Dla każdego rekordu powinien również być podany kod kraju. Do tego celu przeznaczone jest pole "countryiso3166code". Kod powinien być zgodny z ISO3166-1 alpha-2 (dwuliterowy). Kodem właściwym dla Polski jest "PL". Aktualna lista kodów dla pozostałych państw powinna być dostępna pod adresem: [http://www.iso.org/iso/country\\_codes/iso\\_3166\\_code\\_lists.htm](http://www.iso.org/iso/country_codes/iso_3166_code_lists.htm).

## Opis pól związanych z określeniem lokalizacji:

### latitude

### wymagane

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/SiteCoordinateSets/SiteCoordinates/CoordinatesLatLong/LatitudeDecimal>

Przeznaczenie:

szerokość geograficzna

Przykład:

**52.21**

Opis:

Pole przeznaczone jest do umieszczenia szerokości geograficznej w formacie dziesiętnym. Znakiem oddzielającym część dziesiętną jest kropka. Współrzędne na półkuli południowej należy podać jako wartość ujemną.

## **longitude**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

[ordinatesLatLong/LongitudeDecimal](#)

Przeznaczenie:

długość geograficzna

Przykład:

**20.98**

Opis:

Pole przeznaczone jest do umieszczenia długości geograficznej w formacie dziesiętnym. Znakiem oddzielającym część dziesiętną jest kropka. Współrzędne na półkuli zachodniej należy podać jako wartość ujemną.

## **coordinateserrordistanceinmeters**

**zalecane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

[DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/SiteCoordinateSets/SiteCoordinates/CoordinatesLatLong/CoordinateErrorDistanceInMeters](#)

Przeznaczenie:

dokładność współrzędnych geograficznych

Przykład:

**7500**

Opis:

Pole przeznaczone jest do określenia, dokładności współrzędnych geograficznych. Wartość podawana jest w metrach.

## **localitytext**

**warunkowo wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/LocalityText>

Przeznaczenie:

lokalizacja

Przykład:

**Görlitz**

Opis:

Pole przeznaczone jest do określenia lokalizacji za pomocą nazwy miejscowej.

## **localitytextlanguage**

**warunkowo wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/LocalityText/@language>

Przeznaczenie:

język lokalizacji

Przykład:

**German**

Opis:

Pole przeznaczone jest do określenia języka w jakim opisano lokalizację za pomocą nazwy miejscowej. Nazwa języka powinna być podana w języku angielskim.

## **countryiso3166code**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Country/ISO3166Code>

Przeznaczenie:

kod kraju

Przykład:

**PL**

Opis:

W tym polu należy podać kod kraju, w którym został zaobserwowany lub zebrany okaz opisywany w rekordzie. Kod powinien być dwuliterowy, zgodny z ISO3166-1 alpha-2, zapisany wielkimi literami.

## **altitude**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Altitude/MeasurementOrFactAtomised/LowerValue>

Przeznaczenie:

wysokość/dolna wartość zakresu wysokości

Przykład:

**750**

Opis:

Pole to może służyć podaniu wysokości, na której zebrano okaz lub dokonano obserwacji. Jeżeli wysokość jest określana jako zakres, wtedy należy w tym polu podać wartość niższą zakresu, natomiast wartość wyższą należy określić w polu "altitudeuppervalue". Wysokość powinna być podana w metrach nad poziomem morza.

## **altitudeuppervalue**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Altitude/MeasurementOrFactAtomised/UpperValue>

Przeznaczenie:

górną wartość zakresu wysokości

Przykład:

**1100**

Opis:

Pole to może służyć podaniu górnej wartości zakresu wysokości, na której zebrano okaz lub dokonano obserwacji. Wartość niższą zakresu należy określić w polu "altitudeuppervalue". Wysokość powinna być podana w metrach nad poziomem morza.

## **depthlowervalue**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Depth/MeasurementOrFactAtomised/LowerValue>

Przeznaczenie:

głębokość/dolną wartość zakresu głębokości

Przykład:

**20**

Opis:

Pole to może służyć podaniu głębokości, na której zebrano okaz lub dokonano obserwacji. Jeżeli głębokość jest określana jako zakres, wtedy należy w tym polu podać wartość niższą zakresu, natomiast wartość wyższą należy określić w polu "depthuppervalue". Głębokość powinna być podana w metrach pod powierzchnią.

## **depthuppervalue**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Depth/MeasurementOrFactAtomised/UpperValue>

Przeznaczenie:

górną wartość zakresu głębokości

Przykład:

**15**

Opis:

Pole to może służyć podaniu górnej wartości zakresu głębokości, na której zebrano okaz lub dokonano obserwacji. Wartość niższą zakresu należy określić w polu "depthuppervalue". Głębokość powinna być podana w metrach pod powierzchnią.



# Określenie Czasu

Wszystkie rekordy w bazie powinny zawierać informację o czasie, dokonania obserwacji, albo zebrania okazu jeżeli rekord opisuje okaz z kolekcji. Zalecane jest określenie czasu, jeżeli jest taka możliwość, z dokładnością do dnia. Data obserwacji (zebrania okazu) powinna być podana zgodnie ze standardem ISO8601 w formie: *yyyy-mm-dd*, czyli cztery cyfry określające rok, myślnik, dwie cyfry określające miesiąc, myślnik, dwie cyfry określające dzień. Gdy będzie to niezbędne, w przypadku pozycji określających miesiąc i dzień, należy pojedynczą cyfrę poprzedzić zerem, aby zachować format dwucyfrowy. Na umieszczenie tak przedstawionej daty przeznaczone jest pole "gatheringdatetimeiso".

Jeżeli obserwacje lub zbiór okazów odbywały się przez jakiś okres, wskazane jest określić ten przedział, podając datę rozpoczęcia i zakończenia. W takiej sytuacji datę rozpoczęcia umieścić należy w polu "gatheringdatetimeiso", a datę zakończenia w polu "gatheringdatetimeisoend".

Gdy określenie daty obserwacji (zebrania okazu) nie jest możliwe, można podać czas z mniejszą dokładnością. Tak określony czas powinien zostać umieszczony w polu "gatheringdatetext", w formie: *yyyy-mm*, lub *yyyy*. Podany czas powinien zostać określony z dokładnością co najmniej do roku.

Jeśli zachodzi konieczność podania przedziału czasu bez określania dokładnych dat, można to zrobić w polu "gatheringdatetext", rozdzielając ciągi określające początek i koniec znakiem dwukropka,

*yyyy-mm:yyyy-mm*.

W przypadku rekordów dotyczących wyjątkowo wartościowych okazów z kolekcji, dla których określenie czasu zebrania okazu nie jest możliwe, dopuszcza się podanie czasu z dokładnością mniejszą niż rok.

## Opis pól związanych z określeniem czasu:

### **gatheringdatetimeiso**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/DateTime/ISODateTimeBegin>

Przeznaczenie:

czas obserwacji / zebrania okazu (początek przedziału czasu)

Przykład:

**1973-09-06**

Opis:

Pole przeznaczone jest do umieszczenia daty dokonania obserwacji lub zebrania okazu. W przypadku określania przedziału czasu, w którym były dokonywane obserwacje / zbiór okazów, to pole służy do podania daty rozpoczęcia. Wymagane jest podanie czasu zgodnie ze standardem ISO8601 w formie *yyyy-mm-dd*.

## **gatheringdatetimeisoend**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/DateTime/ISODateTimeEnd>

Przeznaczenie:

koniec przedziału czasu

Przykład:

**2007-02-12**

Opis:

Pole przeznaczone jest do umieszczenia daty końca przedziału czasu. Wypełniane jest, gdy czas obserwacji / zbierania okazów podany jest w postaci przedziału czasu. Wymagane jest podanie czasu zgodnie ze standardem ISO8601 w formie *yyyy-mm-dd*.

## **gatheringdatetext**

**warunkowo wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/DateTime/DateText>

Przeznaczenie:

określenie czasu w postaci niepełnej daty

Przykład:

**1974-04**

**1982-06:1982-11**

Opis:

Pole przeznaczone jest do umieszczenia daty w formie niepełnej (bez podania dnia lub dnia i miesiąca). Data powinna zostać umieszczona w formacie *yyyy-mm* lub *yyyy*. W polu tym można też podać przedział czasu przy użyciu niepełnych dat. W tym celu daty określające początek i koniec przedziału należy rozdzielić znakiem dwukropka.

# Określenie systematyki

Najważniejszym polem związanym z określeniem systematyki jest pole "fullscientificname". Zawartość tego pola jest połączeniem informacji podawanych w innych polach. Dlatego też nie powinno być ono wypełniane przez bezpośrednie wpisanie wartości, ale poprzez połączenie zawartości właściwych pól. Metody łączenia zawartości kilku pól zostały omówione w dodatku C. Takie postępowanie pozwoli na uniknięcie błędów i pomyłek oraz ułatwi aktualizację i uzupełnianie baz.

Wskazane jest określenie systematyki do poziomu gatunku. Możliwe jest umieszczenie w bazie rekordów dotyczących okazów ze zbiorów, oznaczonych z mniejszą dokładnością. W takiej sytuacji umieszczenie w bazie danych o posiadanych okazach może spowodować zainteresowanie innych badaczy i specjalistów, a w konsekwencji może doprowadzić do uzupełnienia systematyki okazu. Należy jednak podkreślić, że taka sytuacja zawsze powinna mieć charakter przejściowy. W takich przypadkach informacja o niepełności oznaczeń musi znaleźć się w metadanych opisujących bazę.

## Opis pól związanych z określeniem systematyki

### **fullscientificname**

### **wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/FullScientificNameString>

Przeznaczenie:

nazwa gatunku w pełnym brzmieniu

Przykład:

**Cypraea tigris Linnaeus, 1758**

**Erithacus rubecula (Linnaeus, 1758)**

**Erithacus rubecula melophilus Hartert, 1901**

**Alchemilla argrophylla var. trifolioidea Haum. & Balle**

**Crataegus x media Bechst.**

**+ Crataegomespilus dardarii Simon-Louis**

**Rhododendron groenlandicum (Oeder) Kron & Judd**

**Rhododendron campanulatum subsp. aeruginosum (J. D. Hooker) D. F. Chamberlain**

**Klebsiella pneumoniae (Schroeter 1886) Trevisan 1887**

**Acetobacter aceti subsp. xylinus (Brown 1886) De Ley and Frateur 1974**

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy gatunkowej w pełnym brzmieniu. Pole to nie powinno być wypełniane bezpośrednio, ale przez połączenie innych pól przeznaczonych do opisu systematyki. Wskazówki na temat tego znajdują się w rozdziale "Łączenie pełnej nazwy naukowej".

## **highertaxon**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/HigherTaxa/HigherTaxon/HigherTaxonName>

Przeznaczenie:

takson wyższego rzędu

Przykład:

**Ericaceae**

**Turdidae**

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia taksonu wyższego rzędu niż rodzaj. Jeżeli to pole jest wypełnione, należy wypełnić pole "highertaxonrank". Standardem jest w tym wypadku podawanie nazwy rodziny

## **highertaxonrank**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/HigherTaxa/HigherTaxon/HigherTaxonName>

Przeznaczenie:

ranga taksonu wyższego rzędu

Przykład:

**family**

Opis:

Pole przeznaczone do określenia rangi taksonomicznej dla taksonu wyższego rzędu niż rodzaj opisywanego w polu "highertaxon". Pole to powinno zostać wypełnione w języku angielskim.

Pozostałe zestawy pól służących określeniu systematyki są różne, dla różnych grup organizmów. Zostały one podzielone na pola opisujące rekordy zoologiczne, pola opisujące rekordy botaniczne i pola opisujące rekordy mikrobiologiczne. Zostaną one omówione oddzielnie.

### **Opis pól związanych z określeniem systematyki zoologicznej**

#### **zoologicalzoologicalgenusormonomial** **wymagane**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Zoological/GenusOrMonomial>

Przeznaczenie:

nazwa rodzaju – dane zoologiczne

Przykład:

**Cypraea** [w: **Cypraea** tigris Linnaeus, 1758]

**Erithacus** [w: **Erithacus** rubecula (Linnaeus, 1758)]

**Erithacus** [w: **Erithacus** rubecula melophilus Hartert, 1901]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy rodzaju.

#### **zoologicalsubgenus** **opcjonalne**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Zoological/Subgenus>

Przeznaczenie:

nazwa podrodzaju – dane zoologiczne

Przykład:

**Cypraea**

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy podrodzaju.

#### **zoologicalspeciesepithet** **wymagane**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Zoological/SpeciesEpithet>

Przeznaczenie:

nazwa gatunku – dane zoologiczne

Przykład:

**tigris** [w: **Cypraea tigris** Linnaeus, 1758]

**rubecula** [w: **Erithacus rubecula** (Linnaeus, 1758)]

**rubecula** [w: **Erithacus rubecula** melophilus Hartert, 1901]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy gatunku.

## **zoologicalsubspeciesepithet**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Zoological/SubspeciesEpithet>

Przeznaczenie:

nazwa podgatunku – dane zoologiczne

Przykład:

**melophilus** [w: Erithacus rubecula **melophilus** Hartert, 1901]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy podgatunku.

## **zoologicalauthorteamoriginalandyear**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Zoological/AuthorTeamOriginalAndYear>

Przeznaczenie:

autor opisu gatunku i rok publikacji (bez nawiasu) – dane zoologiczne

Przykład:

**Linnaeus, 1758** [w: Cypraea tigris **Linnaeus, 1758**]

**Hartert, 1901** [w: Erithacus rubecula melophilus **Hartert, 1901**]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwiska autora opisu gatunku lub podgatunku (jeżeli pole "zoologicalsubspeciesepithet" jest wypełnione) i roku publikacji tego opisu w przypadkach, gdy nie doszło do rewizji systematycznej i nazwa nadana przez autora obowiązuje do dziś.

## **zoologicalauthorteamparenthesisandyear**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Zoological/AuthorTeamParenthesisAndYear>

Przeznaczenie:

autor opisu gatunku i rok publikacji (w nawiasie) – dane zoologiczne

Przykład:

**Linnaeus, 1758** [w: Erithacus rubecula (**Linnaeus, 1758**)]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwiska autora pierwszego opisu gatunku lub podgatunku (jeżeli pole "zoologicalsubspeciesepithet" jest wypełnione) i roku jego publikacji w przypadku, gdy nastąpiła rewizja i oba elementy powinny być objęte nawiasem.

## Opis pól związanych z określeniem systematyki botanicznej

### **botanicalgenusormonomial**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/GenusOrMonomial>

Przeznaczenie:

nazwa rodzaju – dane botaniczne i mykologiczne

Przykład:

**Rhododendron** [w: **Rhododendron** groenlandicum (Oeder) Kron & Judd]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy rodzaju.

### **botanicalsubgenus**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/Subgenus>

Przeznaczenie:

nazwa podrodzaju – dane botaniczne i mykologiczne

Przykład:

**Rhododendron**

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy podrodzaju.

### **botanicalfirstepithet**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/FirstEpithet>

Przeznaczenie:

epitet gatunkowy – dane botaniczne i mykologiczne

Przykład:

**groenlandicum** [w: **Rhododendron groenlandicum** (Oeder) Kron & Judd]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy w randze gatunku.

## **botanicalinfracpecificepithet**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/InfracpecificEpithet>

Przeznaczenie:

takson poniżej gatunku – dane botaniczne i mykologiczne

Przykład:

**aeruginosum** [w: Rhododendron campanulatum subsp. **aeruginosum** (J. D. Hooker) D. F. Chamberlain]

**trifolioidea** [w: Alchemilla argyrophylla var. **trifolioidea** Haum. & Balle]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy taksonu będącego w randze poniżej gatunku. Jeżeli to pole jest wypełnione, należy wypełnić pole "botanicalrank".

## **botanicalrank**

**warunkowo wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/Rank>

Przeznaczenie:

ranga taksonu poniżej gatunku – dane botaniczne i mykologiczne

Przykład:

**subsp.** [w: Rhododendron campanulatum **subsp.** aeruginosum (J. D. Hooker) D. F. Chamberlain]

**var.** [w: Alchemilla argyrophylla **var.** trifolioidea Haum. & Balle]

Opis:

Pole przeznaczone do określenia rangi taksonomicznej dla taksonu poniżej gatunku opisywanego w polu "botanicalinfracpecificepithet".

## **botanicalhybridflag**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/HybridFlag>

Przeznaczenie:

kwalifikator hybrydy lub chimery (ze szczepienia) – dane botaniczne i mykologiczne

Przykład:

**x** [w: Crataegus **x** media Bechst.]

**+** [w: + Crataegomespilus dardarii Simon-Louis]

Opis:

Pole przeznaczone do zaznaczenia czy dany rekord opisuje hybrydę lub chimerę (ze szczepienia). W przypadku hybrydy w polu tym należy umieścić znak "x", natomiast w przypadku chimery znak "+". Gdy pole to jest wypełnione wymagane jest wypełnienie również pola "botanicalhybridflaginsertionpoint".



## **botanicalhybridflaginsertionpoint**

**warunkowo wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/HybridFlag/@insertionpoint>

Przeznaczenie:

oznaczenie hybrydy lub szczepionej chimery – dane botaniczne i mykologiczne

Przykład:

**2** dla "x" w [w: Crataegus x media Bechst.]

**1** dla "+" w [w: + Crataegomespilus dardarii Simon-Louis]

Opis:

W polu tym określa się miejsce wstawienia kwalifikatora hybrydy lub chimery ("1" – przed całą nazwą; "2" – przed epitetem gatunkowym; "3" – przed oznaczeniem rangi taksonu poniżej gatunku).

## **botanicalauthorteamparenthesis**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/AuthorTeamParenthesis>

Przeznaczenie:

autor(zy) bazonimu – dane botaniczne i mykologiczne

Przykład:

**Oeder** [w: Rhododendron groenlandicum (**Oeder**) Kron & Judd]

**J. D. Hooker** [w: Rhododendron campanulatum subsp. aeruginosum (**J. D. Hooker**) D. F. Chamberlain]

Opis:

Pole to służy do podania autorów bazonimu epitetu gatunkowego lub podgatunku (jeśli pole "botanicalinfracpecificepithet" nie jest puste) w przypadku, gdy miała miejsce rewizja systematyki taksonu, a nazwisko autora bazonimu ujęte jest w nawias. Jeśli nazwa taksonu nie była zmieniona od pierwszego opisu i nie stosuje się nawiasu przy nazwisku autora, pole to należy pozostawić puste.

## **botanicalauthorteam**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/AuthorTeam>

Przeznaczenie:

autor(zy) aktualnej nazwy – dane botaniczne i mykologiczne

Przykład:

**Kron & Judd** [w: Rhododendron groenlandicum (Oeder) **Kron & Judd**]

**D. F. Chamberlain** [w: Rhododendron campanulatum subsp. aeruginosum (J. D. Hooker) **D. F. Chamberlain**]

Opis:

Pole to służy do podania autorów epitetu gatunkowego obowiązującej nazwy taksonu lub podgatunku (jeśli pole "botanicalinfracpecificepithet" nie jest puste). Autorów należy podawać w tym polu bez nawiasów.

## Opis pól związanych z określeniem systematyki mikrobiologicznej

### **bacterialgenusormonomial**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Bacterial/GenusOrMonomial>

Przeznaczenie:

nazwa rodzaju – dane mikrobiologiczne

Przykład:

**Klebsiella** [w: **Klebsiella pneumoniae** (Schroeter 1886) Trevisan 1887]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy rodzaju.

### **bacterialsubgenus**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Bacterial/Subgenus>

Przeznaczenie:

nazwa podrodzaju – dane mikrobiologiczne

Przykład:

**Salmonicida**

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy podrodzaju.

### **bacterialspeciesepithet**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Bacterial/SpeciesEpithet>

Przeznaczenie:

nazwa gatunku – dane mikrobiologiczne

Przykład:

**pneumoniae** [w: **Klebsiella pneumoniae** (Schroeter 1886) Trevisan 1887]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy gatunku.

## **bacterialspeciesepithet**

**opcjonalne**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Bacterial/SubspeciesEpithet>

Przeznaczenie:

nazwa podgatunku – dane mikrobiologiczne

Przykład:

**xylinus** [w: Acetobacter aceti subsp. **xylinus** (Brown 1886) De Ley and Frateur 1974]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy podgatunku.

## **bacterialparenteticalauthorteamandyear**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Bacterial/ParenteticalAuthorTeamAndYear>

Przeznaczenie:

autorzy bazonimu – dane mikrobiologiczne

Przykład:

**Schroeter 1886** [w: Klebsiella pneumoniae (**Schroeter 1886**) Trevisan 1887]

**Brown 1886** [w: Acetobacter aceti subsp. xylinus (**Brown 1886**) De Ley and Frateur 1974]

Opis:

Pole to służy do podania autorów epitetu gatunkowego obowiązującej nazwy taksonu lub podgatunku (jeśli pole "bacterialspeciesepithet" nie jest puste) w przypadku, gdy miała miejsce rewizja systematyki taksonu, a nazwisko autora bazonimu ujęte jest w nawias. Jeśli nazwa taksonu nie była zmieniona od pierwszego opisu i nie stosuje się nawiasu przy nazwisku autora, pole to należy pozostawić puste.

## **bacterialauthorteamandyear**

**wymagane**

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/Result/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Bacterial/AuthorTeamAndYear>

Przeznaczenie:

autorzy aktualnej nazwy – dane mikrobiologiczne

Przykład:

**Trevisan 1887** [w: Klebsiella pneumoniae (Schroeter 1886) **Trevisan 1887**]

**De Ley et Frateur 1974** [w: Acetobacter aceti subsp. xylinus (Brown 1886) **De Ley et Frateur 1974**]

Opis:

Pole to służy do podania autorów epitetu gatunkowego obowiązującej nazwy taksonu lub podgatunku (jeśli pole "bacterialspeciesepithet" nie jest puste).

## Dodatkowe informacje

Opisane poniżej pola dotyczą informacji, które nie są wymagane. Mogą one jednak posłużyć umieszczeniu wielu dodatkowych danych, które zwiększą wartość naukową rekordów. Wszystkie poniższe pola są oznaczone jako opcjonalne.

### Opis pól związanych z określeniem systematyki gatunków powiązanych

Gatunek powiązany jest tutaj rozumiany jako gatunek żywicielski, gospodarz w przypadku gatunków pasożytniczych (również bakterii i wirusów) albo gatunek zasiedlany przez gatunek opisywany w danym rekordzie.

Najważniejszym polem związanym z określeniem systematyki jest pole "associatedtaxafullscientificname". Zawartość tego pola jest połączeniem informacji podawanych w innych polach. Dlatego też nie powinno być ono wypełniane przez bezpośrednie wpisanie wartości, ale poprzez połączenie zawartości właściwych pól. Metody łączenia zawartości kilku pól zostały omówione w dodatku C. Takie postępowanie pozwoli na uniknięcie błędów i pomyłek, oraz ułatwi aktualizację i uzupełnianie baz.

#### **associatedtaxafullscientificname**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/ScientificName/FullScientificNameString>

Przeznaczenie:

nazwa gatunku w pełnym brzmieniu – gatunki powiązane

Przykład:

**Cypraea tigris Linnaeus, 1758**

**Erithacus rubecula (Linnaeus, 1758)**

**Erithacus rubecula melophilus Hartert, 1901**

**Alchemilla argyrophylla var. trifolioidea Haum. & Balle**

**Crataegus x media Bechst.**

**+ Crataegomespilus dardarii Simon-Louis**

**Rhododendron groenlandicum (Oeder) Kron & Judd**

**Rhododendron campanulatum subsp. aeruginosum (J. D. Hooker) D. F. Chamberlain**

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy gatunkowej w pełnym brzmieniu. Pole to nie powinno być wypełniane bezpośrednio, ale przez połączenie innych pól przeznaczonych do opisu systematyki.

## **associatedtaxahighertaxonname**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/ScientificName/FullScientificNameString>

Przeznaczenie:

takson wyższego rzędu – gatunki powiązane

Przykład:

**Ericaceae**

**Turdidae**

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia taksonu wyższego rzędu niż rodzaj. Jeżeli to pole jest wypełnione, należy wypełnić pole "associatedtaxahighertaxonrank".

## **associatedtaxahighertaxonrank**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/HigherTaxa/HigherTaxon/HigherTaxonRank>

Przeznaczenie:

ranga taksonu wyższego rzędu – gatunki powiązane

Przykład:

**family**

Opis:

Pole przeznaczone do określenia rangi taksonomicznej dla taksonu wyższego rzędu niż rodzaj opisywanego w polu "associatedtaxahighertaxon".

## **Opis pól związanych z określeniem systematyki zwierzęcych gatunków powiązanych**

## **associatedtaxazoologicalzoologicalgenusormonomial**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Zoological/GenusOrMonomial>

Przeznaczenie:

nazwa rodzaju – gatunki powiązane, dane zoologiczne

Przykład:

**Cypraea** [**Cypraea** tigris Linnaeus, 1758]

**Erithacus** [**Erithacus** rubecula (Linnaeus, 1758)]

**Erithacus** [**Erithacus** rubecula melophilus Hartert, 1901]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy rodzaju.

## **associatedtaxazologicalsubgenus**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Zoological/Subgenus>

Przeznaczenie:

nazwa podrodzaju – gatunki powiązane, dane zoologiczne

Przykład:

**Cypraea**

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy podrodzaju.

## **associatedtaxazologicalspeciesepithet**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Zoological/SpeciesEpithet>

Przeznaczenie:

nazwa gatunku – gatunki powiązane, dane zoologiczne

Przykład:

**tigris** [w: *Cypraea tigris* Linnaeus, 1758]

**rubecula** [w: *Erithacus rubecula* (Linnaeus, 1758)]

**rubecula** [w: *Erithacus rubecula melophilus* Hartert, 1901]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy gatunku.

## **associatedtaxazologicalsubspeciesepithet**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Zoological/SubspeciesEpithet>

Przeznaczenie:

nazwa podgatunku – gatunki powiązane, dane zoologiczne

Przykład:

**melophilus** [w: *Erithacus rubecula melophilus* Hartert, 1901]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy podgatunku.

## **associatedtaxazoologicalauthorteamoriginalandyear**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Zoological/AuthorTeamOriginalAndYear>

Przeznaczenie:

autor opisu gatunku i rok publikacji – gatunki powiązane, dane zoologiczne

Przykład:

**Linnaeus, 1758** [w: Cypraea tigris **Linnaeus, 1758**]

**Hartert, 1901** [w: Erithacus rubecula melophilus **Hartert, 1901**]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwiska autora opisu gatunku lub podgatunku (jeżeli pole "associatedtaxazoologicalsubspeciesepithet" jest wypełnione) i roku publikacji tego opisu w przypadkach, gdy nie doszło do rewizji systematycznej i nazwa nadana przez autora obowiązuje do dziś.

## **associatedtaxazoologicalauthorteamparenthesisandyear**      **wymagane**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Zoological/AuthorTeamParenthesisAndYear>

Przeznaczenie:

autor opisu gatunku i rok publikacji (w nawiasie) – gatunki powiązane, dane zoologiczne

Przykład:

**Linnaeus, 1758** [w: Erithacus rubecula (**Linnaeus, 1758**)]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwiska autora pierwszego opisu gatunku lub podgatunku (jeżeli pole "associatedtaxazoologicalsubspeciesepithet" jest wypełnione) i roku jego publikacji w przypadku, gdy nastąpiła rewizja i oba elementy powinny być objęte nawiasem.

## Opis pól związanych z określeniem systematyki roślinnych gatunków powiązanych

### **associatedtaxabotanicalbotanicalgenusormonomial**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/GenusOrMonomial>

Przeznaczenie:

nazwa rodzaju – gatunki powiązane, dane botaniczne

Przykład:

**Rhododendron** [w: **Rhododendron** groenlandicum (Oeder) Kron & Judd]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy rodzaju.

### **associatedtaxabotanicalfirstepithet**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/FirstEpithet>

Przeznaczenie:

epitet gatunkowy

Przykład:

**groenlandicum** [w: **Rhododendron groenlandicum** (Oeder) Kron & Judd]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy w randze gatunku.

### **associatedtaxabotanicalinfracpecificepithet**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/InfraspecificEpithet>

Przeznaczenie:

takson poniżej gatunku – gatunki powiązane, dane botaniczne

Przykład:

**aeruginosum** [w: **Rhododendron campanulatum** subsp. **aeruginosum** (J. D. Hooker) D. F. Chamberlain]

**trifolioidea** [w: **Alchemilla argyrophylla** var. **trifolioidea** Haum. & Balle]

Opis:

Pole przeznaczone do umieszczenia nazwy taksonu będącego w randze poniżej gatunku. Jeżeli to pole jest wypełnione, należy wypełnić pole "associatedtaxabotanicalrank".

### **associatedtaxabotanicalrank**



Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/Rank>

Przeznaczenie:

ranga taksonu poniżej gatunku – gatunki powiązane, dane botaniczne

Przykład:

**subsp.** [w: Rhododendron campanulatum **subsp.** aeruginosum (J. D. Hooker) D. F. Chamberlain

**var.** [w: Alchemilla argyrophylla **var.** trifolioidea Haum. & Balle]

Opis:

Pole przeznaczone do określenia rangi taksonomicznej dla taksonu poniżej gatunku opisywanego w polu "associatedtaxabotanicalinfracpecificethet".

## **associatedtaxabotanicalhybridflag**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/Rank>

Przeznaczenie:

kwalifikator hybrydy lub chimery (ze szczepienia) – gatunki powiązane, dane botaniczne

Przykład:

**x** [w: Crataegus **x** media Bechst.]

**+** [w: + Crataegomespilus dardarii Simon-Louis]

Opis:

Pole przeznaczone do zaznaczenia czy dany rekord opisuje hybrydę lub chimery (ze szczepienia).

W przypadku hybrydy w polu tym należy umieścić znak "x", natomiast w przypadku chimery znak "+". Gdy pole to jest wypełnione wymagane jest wypełnienie również pola

"associatedtaxabotanicalhybridflaginsertionpoint".

## **associatedtaxabotanicalhybridflaginsertionpoint**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/HybridFlag/@insertionpoint>

Przeznaczenie:

oznaczenie hybrydy lub szczepionej chimery – gatunki powiązane, dane botaniczne

Przykład:

**2** dla "x" w [w: Crataegus x media Bechst.]

**1** dla "+" w [w: + Crataegomespilus dardarii Simon-Louis]

Opis:

W polu tym określa się miejsce wstawienia kwalifikatora hybrydy lub chimery ("1" – przed całą nazwą; "2" – przed epitetem gatunkowym; "3" – przed oznaczeniem rangi taksonu poniżej gatunku).

## **associatedtaxabotanicalauthorteamparenthesis**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/AuthorTeamParenthesis>

*Przeznaczenie:*

autorzy bazonimu – gatunki powiązane, dane botaniczne

*Przykład:*

**Oeder** [w: Rhododendron groenlandicum (**Oeder**) Kron & Judd]

**J. D. Hooker** [w: Rhododendron campanulatum subsp. aeruginosum (**J. D. Hooker**) D. F. Chamberlain]

*Opis:*

Pole to służy do podania autorów bazonimu epitetu gatunkowego lub podgatunku (jeśli pole "associatedtaxabotanicalinfracpecificepithet" nie jest puste) w przypadku, gdy miała miejsce rewizja systematyki taksonu, a nazwisko autora bazonimu ujęte jest w nawias. Jeśli nazwa taksonu nie była zmieniona od pierwszego opisu i nie stosuje się nawiasu przy nazwisku autora, pole to należy pozostawić puste.

## **associatedtaxabotanicalauthorteam**

---

*Mapowanie w ABCD 2.06:*

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/Gathering/Synecology/AssociatedTaxa/TaxonIdentified/ScientificName/NameAtomised/Botanical/AuthorTeam>

*Przeznaczenie:*

autorzy aktualnej nazwy – gatunki powiązane, dane botaniczne

*Przykład:*

**Kron & Judd** [w: Rhododendron groenlandicum (Oeder) **Kron & Judd**]

**D. F. Chamberlain** [w: Rhododendron campanulatum subsp. aeruginosum (J. D. Hooker) **D. F. Chamberlain**]

*Opis:*

Pole to służy do podania autorów epitetu gatunkowego obowiązującej nazwy taksonu lub podgatunku (jeśli pole "associatedtaxabotanicalinfracpecificepithet" nie jest puste). Autorów należy podawać w tym polu bez nawiasów.

## Opis pól związanych z danymi paleontologicznymi

### **palaeontologicalunitcompleteness**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/PalaeontologicalUnit/Preservation/Completeness>

Przeznaczenie:

kompletność

Przykład:

**articulated**  
**disarticulated**  
**complete**  
**incomplete**

Opis:

Pole to służy określeniu czy materiał paleontologiczny jest kompletny i czy jego elementy są połączone czy rozdzielone.

### **palaeontologicalunitform**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/PalaeontologicalUnit/Preservation/Form>

Przeznaczenie:

sposób zachowania

Przykład:

**internal mould**  
**internal cast**  
**external mould**  
**external cast**  
**original**

Opis:

Pole to służy opisowi sposobu zachowania materiału paleontologicznego (jako próżnia w skale, naturalny odlew, zachowana pierwotna struktura czy trop).

### **palaeontologicalunitmatrix**

---

Mapowanie w ABCD 2.06:

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/PalaeontologicalUnit/Preservation/Matrix>

Przeznaczenie:

rodzaj skały

Przykład:

**sandstone**  
**limestone**  
**slate**

*Opis:*

Pole to służy opisowi skały, w jakiej znajduje się materiał paleontologiczny.

## **palaeontologicalunitmineralisation**

---

*Mapowanie w ABCD 2.06:*

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/PalaeontologicalUnit/Preservation/Mineralisation>

*Przeznaczenie:*

mineralizacja

*Przykład:*

**silicification**  
**pyritization**

*Opis:*

Pole to służy opisowi formy mineralizacji materiału paleontologicznego.

## **palaeontologicalunittaphonomy**

---

*Mapowanie w ABCD 2.06:*

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/PalaeontologicalUnit/Preservation/Taphonomy>

*Przeznaczenie:*

tafonomia

*Przykład:*

**organic fragments preserved in anaerobic sediment**  
**preserved in place**  
**transported to a different environment**

*Opis:*

Informacje o mechanizmie powstawania skamieniałości.

## **palaeontologicalunittimerange**

---

*Mapowanie w ABCD 2.06:*

<http://www.tdwg.org/schemas/abcd/2.06/DataSets/DataSet/Units/Unit/PalaeontologicalUnit/TimeRange>

*Przeznaczenie:*

zakres występowania w czasie geologicznym

*Przykład:*

**lower Triassic**  
**upper Selandian**

*Opis:*

Informacje o znanym czasie występowania taksonu kopalnego.

# Łączenie pełnej nazwy naukowej

## Składanie pola "fullscientificname" w programie MS Excel

Poniżej znajdują się funkcje pozwalające automatycznie złożyć pełną nazwę gatunkową z danych znajdujących się w polach służących określeniu systematyki.

### Systematyka zoologiczna

W podanym przykładzie przyjęto że w podanych polach znajdują się wymienione informacje:

B2 - "zoologicalzoologicalgenusormonomial"  
C2 - "zoologicalsubgenus"  
D2 - "zoologicalspeciesepithet"  
E2 - "zoologicalsubspeciesepithet"  
F2 - "zoologicalauthorteamoriginalandyear"  
G2 - "zoologicalauthorteamparenthesisandyear"

Poniższą funkcję należy wkleić do pola "fullscientificname" tabeli Excela i zmienić adresy poszczególnych komórek, tak aby wskazywały właściwe kolumny.

```
=USUŃ.ZBĘDNE.ODSTĘPY(B2&" "&C2&" "&D2&" "&E2&" "&(JEŻELI(G2="";F2;"("&G2&"))))
```

### Systematyka botaniczna

W podanym przykładzie przyjęto że w podanych polach znajdują się wymienione informacje:

B2 - "botanicalbotanicalgenusormonomial"  
C2 - "botanicalsubgenus"  
D2 - "botanicalfirstepithet"  
E2 - "botanicalinfracpecificepithet"  
F2 - "botanicalrank"  
G2 - "botanicalhybridflag"  
H2 - "botanicalhybridflaginsertionpoint"  
I2 - "botanicalauthorteamparenthesis"  
J2 - "botanicalauthorteam"

Poniższą funkcję należy wkleić do pola "fullscientificname" tabeli Excela i zmienić adresy poszczególnych komórek, tak aby wskazywały właściwe kolumny.

```
=USUŃ.ZBĘDNE.ODSTĘPY((JEŻELI(H2=1;G2;"")&" "&B2&" "&C2&" "&(JEŻELI(H2=2;G2;"")&" "&D2&" "&(JEŻELI(H2=3;G2;"")&" "&E2&" "&F2&" "&(JEŻELI(I2<>"";"("&I2&"));"")&" "&J2))
```

### Systematyka mikrobiologiczna

W podanym przykładzie przyjęto że w podanych polach znajdują się wymienione informacje:

B2 - "bacterialgenusormonomial"  
C2 - "bacterialsubgenus"

D2 - "bacterialspeciesepithet"  
 E2 - "bacterialspeciesepithet"  
 F2 - "bacterialparenteticalauthorteamandyear"  
 G2 - "bacterialauthorteamandyear"

Poniższą funkcję należy wkleić do pola "fullscientificname" tabeli Excela i zmienić adresy poszczególnych komórek, tak aby wskazywały właściwe kolumny.

```
=USUŃ.ZBEDNE.ODSTĘPY(B2&" "&C2&" "&D2&" "&E2&" "&(JEŻELI(F2<>"";"("&F2&")";"")&" "&G2))
```

## Składanie pola "fullscientificname" za pomocą języka SQL

Poniżej znajdują się polecenia SQL pozwalające automatycznie złożyć pełną nazwę gatunkową z danych znajdujących się w polach służących określeniu systematyki. Polecenie takie należy wykonać po wypełnieniu pól, z których tworzona jest pełna nazwa naukowa oraz każdorazowo po każdej zmianie danych w tych polach.

### Systematyka zoologiczna

W przykładzie tym tabela przechowująca dane ma nazwę "szablon\_tabeli" a nazwy pól są zgodne z zaleceniami. Przed wykonaniem tego kodu dla własnej bazy SQL należy zamienić nazwę tabeli.

```
UPDATE szablon_tabeli SET fullscientificname = trim(replace(replace(
  szablon_tabeli.zoologicalzoologicalgenusormonomial || ' ' ||
  szablon_tabeli.zoologicalsubgenus || ' ' ||
  szablon_tabeli.zoologicalspeciesepithet || ' ' ||
  szablon_tabeli.zoologicalsubspeciesepithet || ' ' ||
CASE
  WHEN szablon_tabeli.zoologicalauthorteamparenthesisandyear IS NULL
  THEN szablon_tabeli.zoologicalauthorteamoriginalandyear
  ELSE '(' || szablon_tabeli.zoologicalauthorteamparenthesisandyear || ')')
END
```

### Systematyka botaniczna

W przykładzie tym tabela przechowująca dane ma nazwę "szablon\_tabeli" a nazwy pól są zgodne z zaleceniami. Przed wykonaniem tego kodu dla własnej bazy SQL należy zamienić nazwę tabeli.

```
UPDATE szablon_tabeli SET fullscientificname = trim(replace(replace(
CASE
  WHEN szablon_tabeli.botanicalhybridflaginsertionpoint = 1
  THEN szablon_tabeli.botanicalhybridflag
  ELSE ''
END
|| ' ' || szablon_tabeli.botanicalbotanicalgenusormonomial || ' ' ||
CASE
  WHEN szablon_tabeli.botanicalhybridflaginsertionpoint = 2
  THEN szablon_tabeli.botanicalhybridflag
  ELSE ''
END
|| ' ' || szablon_tabeli.botanicalfirstepithet || ' ' ||
CASE
```

```

WHEN szablon_tabeli.botanicalrank IS NOT NULL
  THEN szablon_tabeli.botanicalrank || ' ' ||
    CASE
      WHEN szablon_tabeli.botanicalhybridflaginsertionpoint = 3
        THEN szablon_tabeli.botanicalhybridflag
      ELSE ''
    END
  || ' ' || szablon_tabeli.botanicalinfracpecificepithet
ELSE NULL
END || ' ' ||
CASE
  WHEN szablon_tabeli.botanicalauthorteamparenthesis = ''
    THEN ''
  ELSE '(' || szablon_tabeli.botanicalauthorteamparenthesis || ')'
END
|| ' ' || szablon_tabeli.botanicalauthorteam, ' ', ' '), ' ', ' ');

```

## Systematyka mikrobiologiczna

W przykładzie tym tabela przechowująca dane ma nazwę "szablon\_tabeli" a nazwy pól są zgodne z zaleceniami. Przed wykonaniem tego kodu dla własnej bazy SQL należy zamienić nazwę tabeli.

```

UPDATE szablon_tabeli SET fullscientificname = trim(replace(replace(
  szablon_tabeli.bacterialgenusormonomial || ' ' ||
  szablon_tabeli.bacterialsubgenus || ' ' ||
  szablon_tabeli.bacterialspeciesepithet || ' ' ||
  szablon_tabeli.bacterialsubspeciesepithet || ' ' ||
CASE
  WHEN szablon_tabeli.bacterialauthorteamparenthesisandyear IS NOT NULL
    THEN '(' || szablon_tabeli.bacterialauthorteamparenthesisandyear || ')'
  ELSE ''
END || ' ' ||
szablon_tabeli.bacterialauthorteamandyear

```

## Składanie pola "fullscientificname" za pomocą języka SQL programu MS Access

Sposób wykorzystania kodu SQL do aktualizacji pola w tabeli:

Kod z przykładu należy zapisać w bazie jako polecenie (tzw. kwerendę aktualizującą), po wypełnieniu danymi pól, z których tworzona jest pełna nazwa naukowa:

1. utworzyć nową kwerendę (zakładka "Kwerendy", polecenie "Utwórz kwerendę w widoku projektu"),
2. zamknąć otwarte okno dialogowe "Pokazywanie tabeli" (przycisk "Zamknij"),
3. przełączyć widok na podgląd SQL (menu "Widok", pozycja "SQL"),
4. wkleić kod z przykładu,
5. zamknąć kwerendę, zapisać i nadać jej nazwę,
6. wykonać kwerendę (podwójne kliknięcie na nazwie kwerendy).

Kwerendę należy uruchamiać po każdej zmianie danych w polach, z których tworzona jest pełna nazwa naukowa.

Nazwy obiektów w przykładzie pochodzą z pakietu MS Office 2003.

## **Systematyka zoologiczna**

W przykładzie tym tabela przechowująca dane ma nazwę "szablon\_tabeli" a nazwy pól są zgodne z zaleceniami. Przed wykonaniem tego kodu dla własnej bazy SQL należy zamienić nazwę tabeli.

```
UPDATE szablon_tabeli SET fullscientificname = Trim(Replace(Replace(
zoologicalzoologicalgenusormonomial & ' ' &
zoologicalspeciesepithet &
  IIf(zoologicalsubspeciesepithet IS NOT NULL,
    ' ' & zoologicalsubspeciesepithet,
    '') & ' ' &
  IIf(zoologicalauthorteamparenthesisandyear IS NOT NULL,
    '(' & zoologicalauthorteamparenthesisandyear & ')',
    zoologicalauthorteamoriginalandyear)
, ' ', ' '), ' ', ' '));
```

## **Systematyka botaniczna**

W przykładzie tym tabela przechowująca dane ma nazwę "szablon\_tabeli" a nazwy pól są zgodne z zaleceniami. Przed wykonaniem tego kodu dla własnej bazy SQL należy zamienić nazwę tabeli.

```
UPDATE szablon_tabeli SET fullscientificname = Trim(Replace(Replace(
  IIf(botanicalhybridflaginsertionpoint=1,
    botanicalhybridflag,
    '') & ' ' &
botanicalgenusormonomial & ' ' &
  IIf(botanicalhybridflaginsertionpoint=2,
    botanicalhybridflag,
    '') & ' ' &
botanicalfirststepithet & ' ' &
  IIf(botanicalrank IS NOT NULL,
    botanicalrank & ' ' &
    IIf(botanicalhybridflaginsertionpoint=3,
      botanicalhybridflag,
      '') & ' ' &
    botanicalinfracpecificepithet,
    '') & ' ' &
  IIf(botanicalauthorteamparenthesis='',
    '',
    '(' & botanicalauthorteamparenthesis & ')') & ' ' &
botanicalauthorteam
, ' ', ' '), ' ', ' '));
```

## **Systematyka mikrobiologiczna**

W przykładzie tym tabela przechowująca dane ma nazwę "szablon\_tabeli" a nazwy pól są zgodne z zaleceniami. Przed wykonaniem tego kodu dla własnej bazy SQL należy zamienić nazwę tabeli.

```
UPDATE szablon_tabeli SET fullscientificname = Trim(Replace(Replace(
bacterialgenusormonomial & ' ' &
bacterialsubgenus & ' ' &
bacterialsubgenus & ' ' &
bacterialspeciesepithet & ' ' &
```



```
bacterialspeciesepithet & ' ' &
IIf( bacterialparenteticalauthorteamandyear='',
    '',
    '(' & bacterialparenteticalauthorteamandyear & ')') & ' ' &
bacterialauthorteamandyear
, ' ', ' '), ' ', ' '));
```